


南京农业大学人工智能学院师资队伍（个人信息）

姓 名	计智伟	性 别	男	
学 位	工学博士	职 称	教授、博导	
部 门 (系别)	计算机系	E-mail	Zhiwei.Ji@njau.edu.cn	
通信地址	南京市卫岗 1 号 综合楼 A622-1 (团队主页: cdsic.njau.edu.cn)			
个人简介	<p>计智伟，教授，博士生导师，于 2020 年 8 月以海外高层次人才引进人才加盟南京农业大学人工智能学院。大数据智能计算研究中心（筹）负责人。回国之前，计博士就职于美国德克萨斯大学，生物医学信息学系（SBMI），助理教授。</p> <p>计博士于 2016 年在同济大学计算机系取得工学博士学位。从 2013 年 5 月起，在美国维克森林大学和德克萨斯大学从事科研工作，先后任研究助理，博士后，助理教授。他的研究兴趣包括：大数据分析建模，人工智能与模式识别，系统生物学，生物信息学。近五年来，在相关领域重要期刊（例如：<i>PLOS COMPUT BIOL</i>, <i>IEEE Trans</i> 系列, <i>INFORM SCIENCES</i>, <i>KNOWL-BASED SYST</i> 等）发表 SCI 论文 40 多篇，谷歌他引 1000 多次，H 指数 20。他的研究成果受到了领域学者的广泛关注，多个算法模型已被写入 Springer 和 Elsevier 教材并出版。近两年，受邀担任 <i>IEEE T SYST MAN CY-S</i>, <i>COMPUT BIOL MED</i>, <i>NEUROCOMPUTING</i>, <i>Frontiers</i> 系列, 以及 <i>ICDM</i>, <i>BIBM</i> 和 <i>ICIC</i> 等国际知名期刊和会议的同行评审专家。作为 Guest Editor，分别在 <i>IEEE ACM T COMPUT BI</i>、<i>Frontiers</i> 系列等杂志上成功举办了三期 Special Issue，出版 Ebook 一部。现为科技部国家科技专家库评审专家、南农人工智能学院学术委员会委员、江苏省生物信息学专业委员会委员。</p> <p>● 教育经历</p> <p>2011.9-2016.3, 同济大学，计算机系，模式识别与智能系统，工学博士。</p> <p>2006.9-2009.3, 上海大学，计算机系，计算机应用技术，工学硕士。</p> <p>1999.9-2003.6, 浙江农林大学，计算机系，计算机科学与技术，工学学士</p> <p>● 工作经历</p> <p>2019.3-2020.7, 美国德克萨斯大学，休斯顿健康科学中心 UTHealth，生物医学信息学系，助理教授。</p> <p>2017.7-2019.2, 美国德克萨斯大学，休斯顿健康科学中心 UTHealth，生物医学信息学系，博士后。</p> <p>2016.9-2017.6, 美国维克森林大学，放射系，生物信息与系统生物学研究中心，博士后。</p> <p>2013.5-2015.6, 美国维克森林大学，放射系，生物信息与系统生物学研究中心，研究学者。</p> <p>2003.7-2011.6, 浙江农林大学，信息工程学院，讲师。</p>			

研究领域	1. 大数据分析、建模和预测； 2. 人工智能理论与应用研究； 3. 生物信息与系统生物学。
教授课程	1. 【生物信息学】 2. 【机器学习导论】 3. 【数据库系统概论】
承担项目	1. 大尺度生物分子网络建模揭示肿瘤放射抗性的分子机制，江苏省自然科学基金-面上项目，2021-07至2024-06，10万，主持。 2. 大规模生物信息计算揭示阿尔茨海默病基因表达的振荡模式，外国专家交流项目-短期（校级高端项目），2021-07至2022-06，3万，主持。 3. AI-优化的生物信息与系统生物学方法研究，南京农业大学海外高层次人才引进人才启动项目，2020-10至2025-09，150万，主持。
学术成果 (论文、专利、软著等)	一、近3年主要代表作： 1. X Xie, X Gu, Y Li, Z Ji* . K-size partial reduct: positive region optimization for attribute reduction. <i>Knowledge-based Systems</i> , 2021. (SCI, 中科院一区, Top Journal , IF=8.038) 2. X Zhao, H Li, S Lyu, J Zhai, Z Ji , et al., Single-cell transcriptomics reveals heterogeneous progression and EGFR activation in pancreatic adenocarcinoma. <i>International Journal of Biological Sciences</i> , 2021, 17: 2590-2605. (SCI, 中科院二区, IF=6.58) 3. Z Ji* , C Liu, W Zhao, C Soto, X Zhou*. Multi-scale modeling for systematically understanding the key roles of microglia in AD development. <i>Computers in Biology and Medicine</i> , 2021, 133: 1-10. (SCI, 中科院二区, IF=4.589) 4. T Sun, Y Guo, L Zhao, M Fan, N Huang, M Tian, Q Liu, J Huang, Z Liu, Y Zhao, Z Ji , J Ping*. Evolution of the PB1 gene of human influenza A(H3N2) viruses circulating between 1968 and 2019. <i>Transboundary and Emerging Diseases</i> , 2021. (SCI, 中科院一区, Top Journal , IF=5.005) 5. N Jin, Y Zeng, K Yan, Z Ji . Multivariate Air Quality Forecasting with Nested LSTM Neural Network, <i>IEEE Transactions on Industrial Informatics</i> , 2021. (SCI, 中科院一区, Top Journal , IF=10.215, 引用7次) 6. H Hu, Q Guan, S Chen*, Z Ji* , Y Lin. Detection and Recognition for Life State of Cell Cancer Using Two-Stage Cascade CNNs. <i>IEEE/ACM Transaction on Computational Biology and Bioinformatics</i> , 2020, 17(3): 887-898. (SCI, IF=3.71, 引用17次)

7. W Wang, Y Zhou, M Cheng, Y Wang, C Zheng, Y Xiong, P Chen, **Z Ji***, B Wang*. Potential Pathogenic Genes Prioritization Based on Protein Domain Interaction Network Analysis. *IEEE/ACM Transaction on Computational Biology and Bioinformatics*, 2020, 18(3): 1026-1034. (SCI, IF=3.71, 引用 10 次)
8. **Z Ji#**, W Zhao#, HK Lin, X Zhou*. Systematically understanding the immunity leading to CRPC progression. *PLoS Computational Biology*, 2019, 15 (9): e1007344. (SCI, 中科院一区, **Top Journal**, IF=4.475, 引用 12 次)
9. M Hu, X Feng, **Z Ji***, K Yan*, S Zhou. A novel computational approach for discord search with local recurrence rates in multivariate time series. *Information Sciences*, 2019, 477: 220-233. (SCI, 中科院一区, **Top Journal**, IF=6.795, 引用 16 次)
10. K Yan#, **Z Ji#**, H Lu*, J Huang, W Shen, Y Xue. Fast and accurate classification of time series data using extended ELM: Application in fault diagnosis of air handling units. *IEEE Transactions on Systems, Man, and Cybernetics: Systems*, 2019, 49 (7): 1349-1356. (SCI, 中科院一区, **Top Journal**, IF=13.451, 引用 65 次, **ESI 高被引**)
11. C Liu, J Chyr, W Zhao, Y Xu, **Z Ji**, H Tan, C Soto; X Zhou*, Genome-Wide Association and Mechanistic Studies Indicate That Immune Response Contributes to Alzheimer's Disease Development, *Frontiers in Genetics*, 2018, 9. (SCI, IF=4.599, 引用 26 次)
12. K Yan, **Z Ji***, W Shen. Online fault detection methods for chillers combining extended kalman filter and recursive one-class SVM. *Neurocomputing*, 2017, 228: 205-212. (SCI, 中科院一区, **Top Journal**, IF=5.719, 引用 90 次)

二、论著之外的代表性成果

1. 计智伟, 多尺度模型系统理解导致 CRPC 发展的免疫学原理, 亚太地区药物研发与数字化技术创新专题研讨会, 南京, 2020-11-28 至 2020-11-29, **大会特邀报告**。

2. 计智伟, A novel Bioinformatics Approach to Reveal Oscillatory Patterns of Gene Expression in AD. 第十届江苏省生物信息学学术会议暨第九届全国生物信息学与系统生物学学术大会--扬州卫星会议, 扬州, 2020-11-27 至 2020-11-28, **大会特邀报告**。

3. 时磊, 刘君强, 计智伟, 一种能量有效的混合无线传感器网络路由方法, **授权发明专利**, 中国, ZL 201710050189.9, 2019-09-06.

	<p>4. Z Ji, B Wang, K Yan, L Dong, G Meng, L Shi, A linear programming computational framework integrates phosphor-proteomics and prior knowledge to predict drug efficacy. 16th International Conference on Bioinformatics (InCoB), Best Paper Award (BMC Systems Biology), Shenzhen, 2017-09-20 至 2017-09-22.</p>
<p>奖励荣誉</p>	<p>祁亨年, 汪杭军, 方崇荣, 胡军国, 邓飞, 罗显贵, 计智伟, 姜广宇, 马灵飞, 张广群, 李文珠, 木材多尺度图像采集和辅助识别及其应用, 浙江省林业厅, 第十二届科技兴林奖, 2012-05.</p>
<p>社会兼职</p>	<p><u>EDITORIAL POSITIONS:</u></p> <p>2018-09 至 2019-12, Guest Editor (客座编辑) for Special issue: “Machine Learning for AI-Enhanced Healthcare and Medical Services: New Development and Promising Solution” on <i>IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics</i> (IF=3.015).</p> <p>2020-05 至 2020-10, Guest Editor (客座编辑) for Special issue: “Artificial Intelligence (AI) Optimized Systems Modeling for the Deeper Understanding of Human Cancers” on <i>Frontiers in Bioengineering and Biotechnology</i> (IF=4.21), <i>Frontiers in Genetics</i> (IF=3.789).</p> <p>2020-09 至 2021-02, Guest Editor (客座编辑) for Special issue: “Artificial Intelligence on Biological and Medical Information Processing” on <i>Scientific Programming</i> (IF=1.22).</p> <p>2021-05 至 2021-06, Chair for workshop “Big data analysis, modeling, and prediction” in <i>ICIVIS2021</i>.</p> <p><u>SERVICE TO THE COMMUNITY:</u></p> <p>2017-Present: manuscript reviewer for the following journals:</p> <ul style="list-style-type: none"> IEEE Transactions on Systems, Man, and Cybernetics: Systems IEEE Transactions on Industrial informatics IEEE Internet of Things Journal IEEE/ACM Transactions on Computational Biology and Bioinformatics Neurocomputing IEEE Sensor Journal Computers in Biology and Medicine Frontiers in Molecular Biosciences Frontiers in Pharmacology Automation in Construction Aging CVPR ICDM ICIC

本团队现与美国维克森林大学、德克萨斯大学、奥克兰大学、里海大学、新加坡国立大学和浙江大学的多个优秀团队建立了合作关系：**课题组将每年选派老师或研究生出国访学**。欢迎具有相关研究背景的海内外学者申请副教授、青年研究员、讲师，加盟我们的团队。

大数据智能计算研究中心（筹）经过近 1 年的快速发展，已吸纳了优秀学者共 15 人，包括副教授和讲师共 3 人，博士和硕士研究生共 8 人，本科生 3 人。热忱欢迎**数学**（信息与计算科学、应用数学、统计学）、**计算机**（机器学习、计算机视觉、数据挖掘）、**自动化**（复杂系统建模与计算智能、生物特征识别）、**生物信息与系统生物学**等专业或方向的学生报考（申请）博士生、硕士生。也欢迎本校在读的优秀本科生加盟团队参加项目实训！

团队主页：cdsic.njau.edu.cn

Email: Zhiwei.Ji@njau.edu.cn

Phone: 19817451686